



DNA ordbog

Værdien af de enkelte markører er bestemt ud fra avlsværditalene hos tyrene i referencegruppen. Der er således tilegnet en værdi for hver SNP i forhold til egenskaben. Dette er tilfældes for alle egenskaber i avlsarbejdet. Værdien af SNP'erne er ikke statiske, men genberegnes løbende når flere dyr indgår i referencegruppen.

Et meget forsimplet eksempel med 5 SNP og 5 tyre med sikre avlsværdital for NTM er vist i nedenstående tabel. I praksis er værdien af SNP'erne mere vanskelige at bestemme, blandt andet fordi sikkerheden på tyrenes avlsværdital ikke er 100%, samt at antallet af tyre i referencegruppen er lavere end antallet af SNP.

		SNP					NTM
		1	2	3	4	5	
Tyre	1	A	b	C	D	e	20
	2	A	b	c	d	e	10
	3	A	B	c	d	e	0
	4	A	B	c	d	E	-10
	5	a	B	c	d	E	-20

Ud fra forskellene i SNP på hver enkelt position og avlsværdital for NTM kan effekten af hver SNP på NTM beregnes. I dette tilfælde er værdierne af SNP angivet for varianten med stort bogstav i forhold til varianten med lille bogstav – eksempelvis er værdien af "A" 10 NTM enheder højere end for "a":

A: +10
 B: -10
 C: +5
 D: +5
 E: -10

Disse værdier er udgangspunktet for omregningsformlen. Det betyder, at hvis der genotypes en nyfødt kalv kan dens NTM beregnes på basis af genomisk information.

Eksempelvis vil en kalv med SNP'erne A b C d e have en avlsværdi for NTM på $10 + 0 + 5 + 0 + 0 = 15$

Promilleafgiftsfonden for landbrug



Den Europæiske Union ved Den Europæiske Fond for Udvikling af Landdistrikter og Ministeriet for Fødevarer, Landbrug og Fiskeri har deltaget i finansieringen af projektet.